|  |
| --- |
| - 최종 선정된 연구자분께서는 본 프로그램을 통해 생산된 데이터를 활용하여 웨비나에서 발표를 진행해 주셔야 합니다. 웨비나 일정은 25년 말까지 진행될 예정입니다.- 기타 세부 사항은 선정 후 개별 안내드릴 예정이며, 본 프로그램 관련 문의는 로킷제노믹스로 문의해 주시기 바랍니다. (genomics@rokit.co.kr | 02-1644-7203)- 연구계획서를 제출하시면 상기 내용에 동의한 것으로 간주됩니다. |
| 작성자 |  | 확인란 | [ ]  동의 [ ]  미동의 |
|  | 동의란에 체크해주세요. |

|  |  |
| --- | --- |
| 성함 |  |
| 연락처 |  | 이메일 |  |
| 연구책임자 성함 |  | 소속 |  |

|  |  |
| --- | --- |
| 샘플 종 |  |
| 샘플의 species를 작성해주세요. 예) *Arabidopsis thaliana, Drosophila melanogaster* |
| 샘플 유래 기관 |  |
| scRNA-seq할 샘플이 유래한 기관 또는 장기를 작성해주세요. 예) Brain, Lung organoid, Root, Whole Body, Stem cell |
| 샘플 준비 가능 일자 |  |
| 프로그램 진행 일정의 사전 조율 목적입니다. 계획 중이신 샘플 준비 일자를 작성해주세요. |
| Cell dissociation 가능 여부 \*우대 사항 | [ ]  가능 [ ]  불가능 |
| 샘플을 dissociation해서 single cell 상태로 준비 가능하신지 체크해주세요. 직접 dissociation해서 샘플 준비가 가능하신경우 선정 시 우대 사항으로 적용됩니다. |
| 데이터 분석 가능 여부 |  |
| scRNA-seq 데이터의 bioinformatics 분석 가능 여부를 작성해주세요. 예) 직접 분석 예정, 타 연구실과 공동연구, 분석 경험 없음 |
| scRNA-seq 경험 여부 |  |
| scRNA-seq 경험 여부를 작성해주세요. 예) 경험 없음, OOO 업체에서 진행 경험 있음 |

|  |
| --- |
| 연구 디자인 |
| 연구 디자인에 대해 간단히 작성해주세요. 최대 분량 1페이지 내로 작성 부탁드립니다.예) 초파리 모델을 활용하여 OOO 질병에 대한 연구를 진행함. AAA 약물과 BBB 약물이 유전자 발현 및 세포 유형, 치료 기전 등에 미치는 영향을 분석하고자 함. 샘플군 4개(control / 질병 모델 / AAA group / BBB group) 분석 예정임. |
|  |